
微生物所肠道解木糖拟杆菌抗脂肪肝机制研究获进展

作者：writer 来源：中国科学院

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/10704.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

肠道微生物组是人体“第二基因组”，其编码的基因及产物在人体生长、发育，免疫、代谢稳态维持过程中发挥重要作用。肠道微生物数量巨大，物种多样性丰富，包括有益菌和有害菌。如何快速准确的找到肠道菌群中参与人体调节的关键“先生”并阐明其作用机制，是肠道微生物组研究的前沿科学问题。中国科学院微生物所研究员刘宏伟、刘双江团队提出挖掘关键、核心肠道微生物的新策略，采用益生元、难吸收药物等外源分子（Outside disturbance factors）干预机体，扰动肠道菌群结构和组成，寻找丰度显著变化OTU，将其定义为内在效应菌（Inside effectors），进一步阐明效应菌功能和机制（图1）。

以上研究成果以Activation of a specific gut Bacteroides-folate-liver axis benefits for the alleviation of nonalcoholic fatty liver disease为题在线发表在国际学术刊物Cell Reports

上。微生物所副研究员乔姗姗、宝丽，博士汪锴为该论文共同第一作者，刘宏伟、刘双江为论文共同通讯作者。

[论文链接](#)

图1 挖掘关键、核心肠道微生物的新策略

图2 小鼠肠道微生物库及狄氏副拟杆菌降脂、降糖机制

图3 解木糖拟杆菌降低脂肪肝作用与叶酸依赖的作用机制

研究团队单位：微生物研究所

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://www.iikx.com)转发