

---

# 沈阳生态所等在真菌物种的发现和系统学研究中取得进展

作者：writer 来源：中国科学院

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/11734.html>

**本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！**

真菌分布于各种生态系统中，在地球养分循环、多样性维持和森林更新等方面有重要作用。在演化历史中，真菌与植物、动物、微生物形成复杂的协同进化关系。真菌物种丰富，据估计，地球上真菌物种有150万到600万种，而目前已描述物种仅有12万种，其比例低于已发现的植物和动物物种的比例。因此，对真菌物种的发现和描述，并在此基础上研究其分子系统演化（真菌生命树）是目前真菌学研究的热点领域。中国科学院沈阳应用生态研究所生物多样性组研究员袁海生团队与其他真菌学者合作，共同发表了真菌分类和系统学研究的最新成果。论文采用形态、显微与分子系统学相结合的方法，共发表110个真菌新分类单元，分属于真菌界3个门（接合菌门、子囊菌门、担子菌门）的40个科，包括5个新属（Amyloceraceomyces, Catenuliconidia, Hansenopezia, Ionopezia, Magnopulchromyces

）、92个新种、8个新组合种以及5个新记录种等。新种包括从2015年起发现于我国北方，特别是东北地区温带森林生态系统的46个绒毛菌属（Tomentella

）真菌新物种，是对该外生菌根真菌类群较系统全面的分类和系统学研究，对理解该类群真菌物种多样性和快速适应性演化具有重要意义，并对菌根生态学研究具有参考价值。

相关研究成果以Fungal diversity notes 1277 – 1386: taxonomic and phylogenetic contributions to fungal taxa为题，在线发表在Fungal Diversity

上。袁海生为论文第一作者和通讯作者，北京林业大学教授戴玉成和泰国皇太后大学（Mae Fah Luang University）教授Kevin D. Hyde为论文共同通讯作者。研究工作得到国家自然科学基金和中科院战略生物资源服务网络计划经典分类青年人才项目等的资助。 [论文链接](#)



图1.基于ITS序列构建的Tomentella属分子系统发育树 ( Bootstrap support values for ML 50% and

Bayesian posterior probabilities 0.95 are given near nodes respectively )

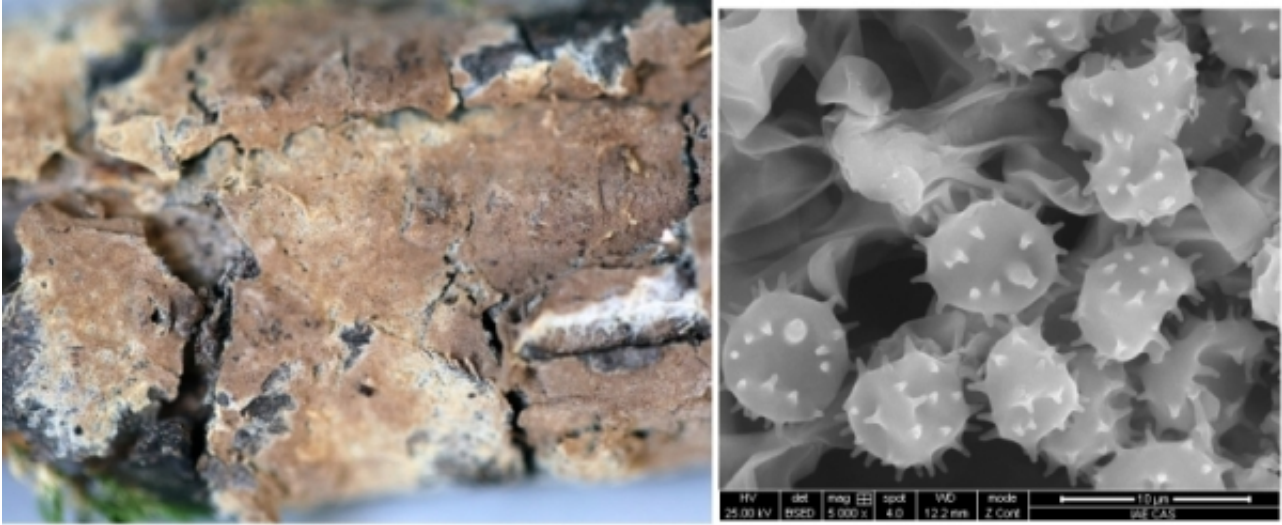
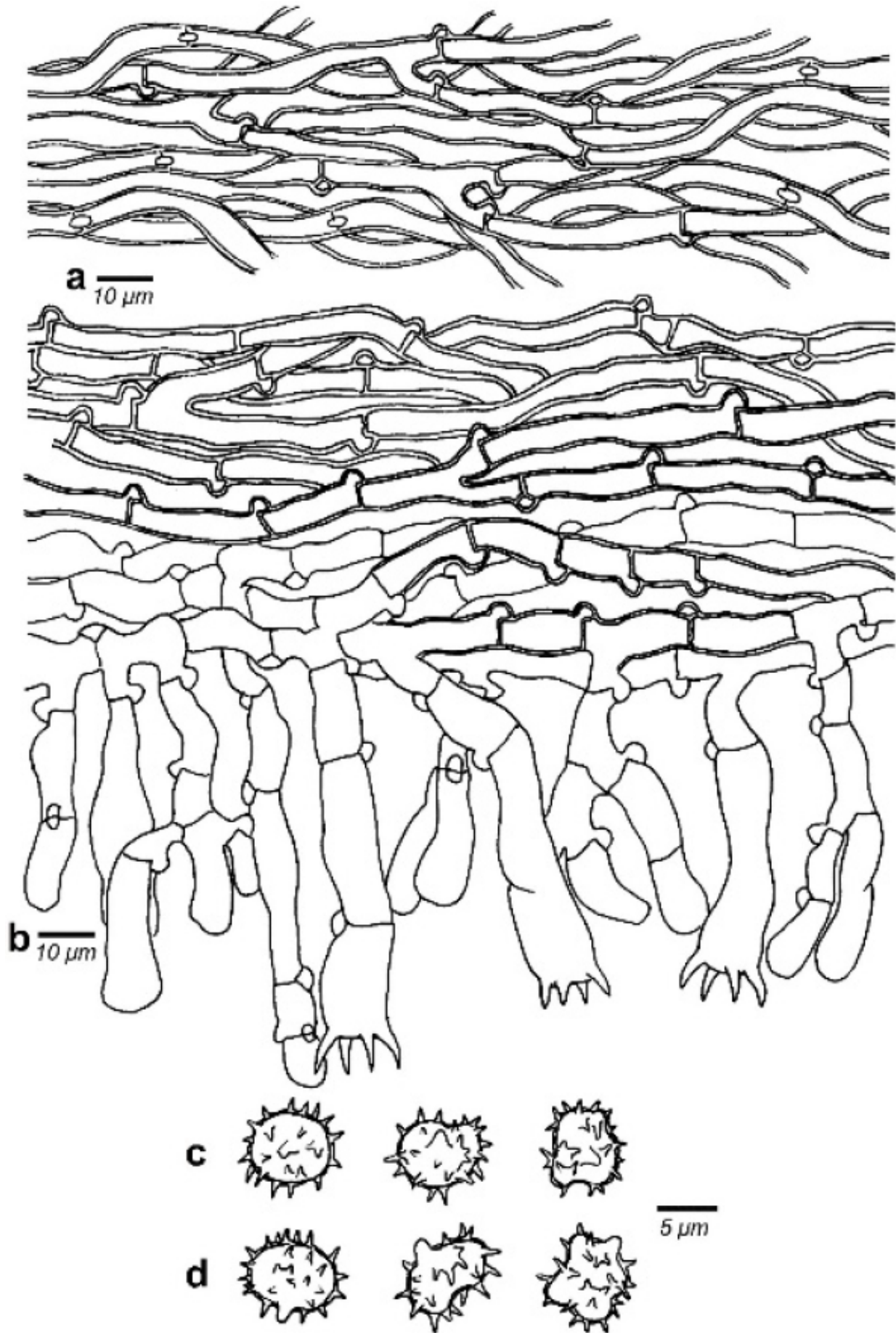


图2. *Tomentella pallidomarginata* ( IFP 019315, holotype ) 子实体和担孢子扫描电镜照片



---

图3. *Tomentella pallidomarginata* ( IFP 019315, holotype ) 显微结构  
研究团队单位：沈阳应用生态研究所

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://www.iikx.com)转发