
研究揭示重度抑郁症与肠道生态系统间的作用机制

作者：writer 来源：爱科学

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/11983.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

研究揭示重度抑郁症与肠道生态系统间的作用机制。

近年来，随着人们各方面压力越来越大，抑郁症发病率也在不断升高。

根据我国一项全国性的流行病学调查显示，目前我国已确诊的抑郁症患者约有3000万。据世界卫生组织消息，全球约有3.5亿名抑郁症患者，在2012年发布的一份题为《抑郁症：全球性危机》的报告中指出，抑郁已成为中国第二大负担疾病，预计在2030年将上升至世界疾病负担首位。

关于抑郁症的研究从未停止，已知的是，肠道微生物群紊乱与重度抑郁症（MDD）有关，然而，对于肠道病毒、微生物和粪便代谢组的变化以及它们在MDD中的相互作用还知之甚少。

12月2日，首都医科大学附属北京安定医院王刚教授团队与重庆医科大学附属第一医院谢鹏教授团队、浙江大学附属第一医院胡少华教授团队等合作开展研究，揭示了MDD肠道生态系统中不同噬菌体、细菌和粪便代谢产物的相互作用机制，为了解整个肠道生态系统在MDD发病机理中的作用提供来深入的见解，有助于研发科学的MDD诊断方法。

研究成果发表在国际期刊Science Advance。（来源：中国科学报张晴丹）

相关论文信息：<https://doi.org/10.1126/sciadv.aba8555>

版权声明：凡本网注明来源：中国科学报、科学网、科学新闻杂志的所有作品，网站转载，请在正文上方注明来源和作者，且不得对内容作实质性改动；微信公众号、头条号等新媒体平台，转载请联系授权。邮箱：shouquan@stimes.cn。

作者：王刚等 来源：《科学进展》

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://www.iikx.com)转发