
华南植物园发表菊科新属——李恒菊属

作者：writer 来源：中国科学院

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/13537.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

菊科是植物类群中最大的科之一，超过3万种，也是我国植物最大的科之一，有2400余种。厚喙菊属（*Dubyaea*）是菊科菊苣族还阳参亚族（subtribe *Crepidinae*）的一个具有大约15种的属，全部种类分布于泛喜马拉雅地区及其邻近地区。Stebbins曾认为厚喙菊属具有菊苣族一些广泛分布的属的祖先类群。

中国科学院华南植物园植物中心博士陈又生团队通过分子系统学研究（包括核基因ITS和5个叶绿体基因片段），结合细胞学和形态学证据，研究发现，厚喙菊属并不是一个自然的单系类群。该属的大部分种类染色体数目 $2n=16$ ，位于还阳参亚族，但有两个具有蓝色花的种类染色体数目 $2n=18$ ，位于莴苣亚族（subtribe *Lactucinae*）。这两个物种（矮小厚喙菊*Dubyaea gombalana*、棕毛厚喙菊*Dubyaea amoena*）分布于高黎贡山地区，为多年生近无茎草本、叶全部基生、花蓝色、瘦果柱状并具有不明显纵肋、冠毛棕褐色，是一个独特的类群。基于充分的证据，陈又生团队发表了菊科一新属，李恒菊属（*Lihengia*），为纪念对高黎贡山植物研究做出重要贡献的植物学家李恒而命名。

相关研究成果发表在*Taxon*（《分类单元》）上。研究工作得到国家自然科学基金的资助。

[论文链接](#)



图1.李恒菊属：李恒菊*Lihengia amoena* (A、B、C) 和矮小李恒菊*L. gombalana* (D、E)

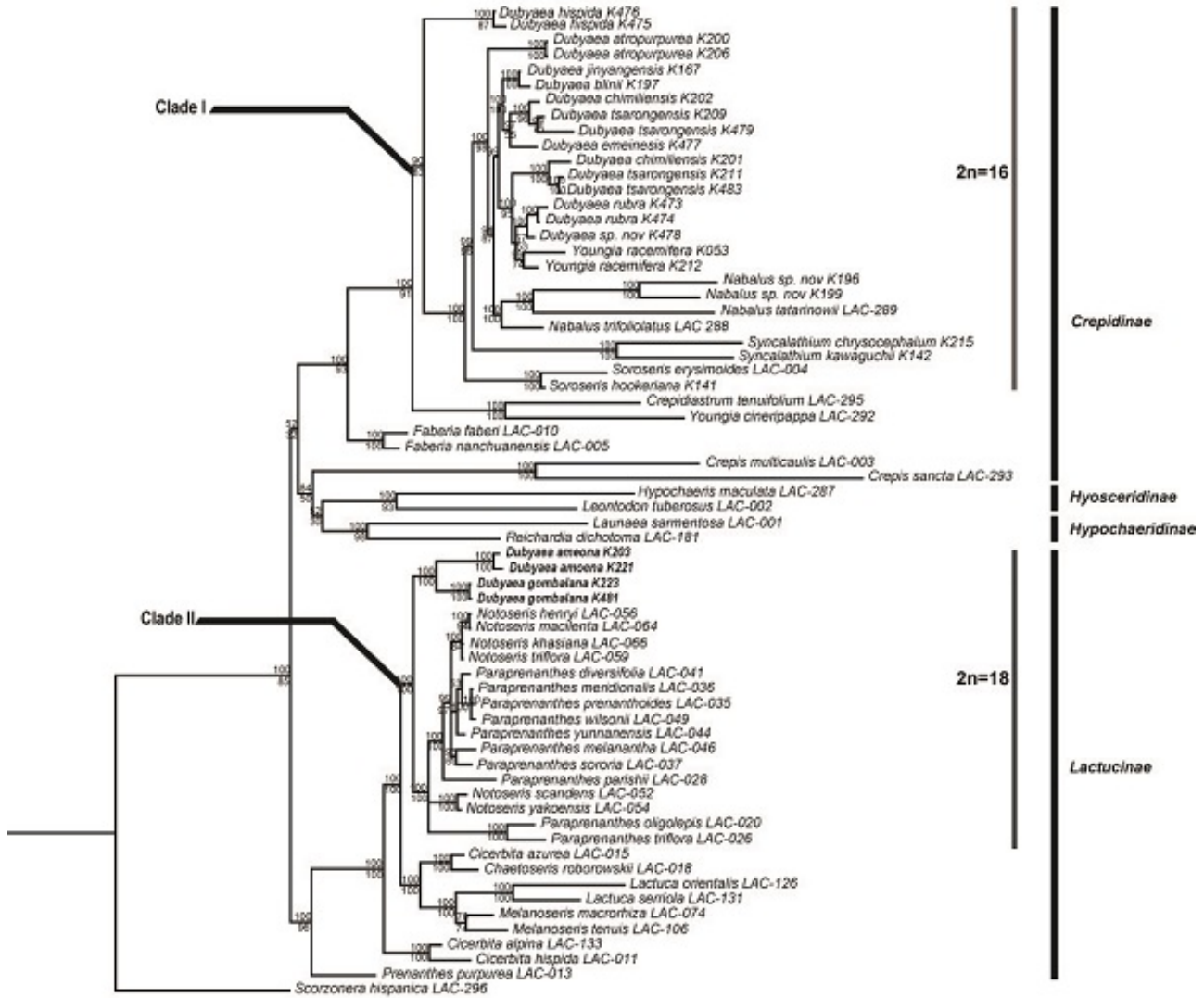


图2.基于5个叶绿体基因片段建立的系统树

研究团队单位：华南植物园

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](https://www.iikx.com)转发