科学家发现与绝经相关遗传变异

作者：writer 来源：爱科学

本文原地址：https://www.iikx.com/news/progress/15011.html

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

科学家发现与绝经相关遗传变异。《自然》8月4日发表的一项大规模全基因组关联研究，发现了290个与绝经年龄相关的遗传变异。

科学家指出，对于这种决定生殖寿命的生物学机制，该研究带来的认知或能指导今后的研究，帮助寻找治疗不孕症和预防疾病的新方法。

平均而言，大部分女性的绝经期发生在50岁到52岁。开始绝经的女性，其自然生育能力会下降，发生骨折或罹患2型糖尿病等疾病的风险会上升。但是，科学家之前一直不太理解为何会出现这种现象，以及如何才能找到挽回生育能力的方法。

在这项最新研究中，英国剑桥大学的John Perry和同事分析了201323名欧洲裔女性的遗传学数据，这些女性的自然绝经年龄在40岁到60岁之间。

通过对约1310万个遗传变异进行分析，研究团队发现了290个与绝经推迟相关的卵巢衰老决定因素。一大批DNA损伤应答基因被发现与自然绝经年龄相关，这些基因会在女性的整个生命周期发挥作用，控制卵巢功能。

研究人员对小鼠的其中两种基因——Chek1和Chek2——进行了特定实验操作，结果显示能影响小鼠的生育能力和生殖寿命。对人类的进一步遗传学分析则显示，绝经推迟与骨健康改善以及2型糖尿病的发生概率下降存在因果关系。不过，绝经推迟与激素敏感性癌症风险增加也存在因果关系。

虽然许多影响生殖年龄段的因素依然未知，包括非遗传因素，但科学家希望，以上发现能指导后续实验研究，找到加强女性生殖功能和延续生育能力的新方法。（来源：中国科学报赵熙熙）

相关论文信息：https://doi.org/10.1038/s41586-021-03779-7

版权声明：凡本网注明来源：中国科学报、科学网、科学新闻杂志的所有作品，网站转载，请在正文上方注明来源和作者，且不得对内容作实质性改动；微信公众号、头条号等新媒体平台，转载请联系授权。邮箱：shouquan@stimes.cn。
来源：《自然》

更多 科学进展 请访问 https://www.iikx.com/news/progress/

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，爱科学iikx.com转发