
科研人员在竹类病原真菌研究中取得新进展

作者：writer 来源：爱科学

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/17872.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

科研人员在竹类病原真菌研究中取得新进展。

内生真菌是引起植物、动物和人类众多传染病的重要生物因子之一，而*Arthrinium rasikravindrae*是一种极具破坏性的内生真菌，可广泛引起全球寄主植物的严重感染。本研究团队首次在四川竹类茎干上发现这种危险性病原真菌，并基于Illumina技术分析其全基因组序列，利用多种功能数据库来证实相关的注释结果。该菌的基因组大小为48.24 MB，N90长度为2,184,859 bp，预测的编码基因为11,101个。在基因组比较中发现，*Arthrinium rasikravindrae*与4株子囊菌门（Ascomycetes）的内生真菌有较高的相关性，而与其它相同生境下的半知菌相关性较弱。本成果首次对*A. rasikravindrae*的基因组规模组装和注释，其系统发育、转录组、蛋白质组、代谢和致病相关数据可为真菌致病基因筛选、寄主 - 病原互作关系提供分子基础。

该研究成果以《毁灭性真菌*Arthrinium rasikravindrae*全基因组序列的首次发现》为题发表在真菌学领域国际期刊《真菌杂志》（*Journal of Fungi*）。四川农业大学林学院森保专业巴基斯坦留学生Abdul Qayoom Majeedano博士为第一作者，朱天辉、李姝江教授为通讯作者，四川农业大学为第一完成单位。

研究得到国家自然科学基金面上项目和四川省科技计划项目、四川农业大学学科建设双支计划资助。（来源：中国科学报 张晴丹 韩庆龙）

相关论文信息：<https://doi.org/10.3390/jof8030255>

版权声明：凡本网注明来源：中国科学报、科学网、科学新闻杂志的所有作品，网站转载，请在正文上方注明来源和作者，且不得对内容作实质性改动；微信公众号、头条号等新媒体平台，转载请联系授权。邮箱：shouquan@stimes.cn。

作者：朱天辉等 来源：《真菌杂志》

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://iikx.com)转发