

---

# 微生物所揭示埃博拉病毒聚合酶的分子机制

作者：writer 来源：中国科学院

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/20220.html>

**本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！**

埃博拉病毒是世界上最高级别的致命病毒之一。埃博拉病毒聚合酶负责病毒基因组复制过程，且具有较高保守性，是研发广谱性药物的重要靶标。由于分子量大、不稳定、易降解等原因，埃博拉病毒聚合酶三维结构的解析是世界性难题，严重限制了靶向聚合酶的药物开发。

中国科学院微生物所高福/施一团队首次解析了埃博拉病毒聚合酶的结构，阐明了其合成子代RNA的分子机制，明确了不分节段负链RNA病毒在进行转录和复制时从起始状态向延伸状态转变时的动态变化，为从分子水平探索埃博拉病毒复制机制奠定了关键理论基础；同时，该工作发现苏拉明药物能通过抑制NTP底物进入酶活中心而有效抑制埃博拉病毒聚合酶的活性，这不仅为防控埃博拉疫情提供了候选治疗方案，而且为抗埃博拉病毒的药物开发提供了新的靶点和方向。

9月28日，相关研究成果发表在《自然》（Nature）上。研究工作得到国家重点研发计划、中科院战略性先导科技专项、国家自然科学基金和中科院青年创新促进会等的资助，并获得上海巴斯德研究所科研人员的支持。

[论文连接](#)

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://www.iikx.com)转发