
斯堪的纳维亚2000年历史讲述维京人古今故事

作者：writer 来源：科学网

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/21494.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

斯堪的纳维亚2000年历史讲述维京人古今故事。1月6日，发表在细胞出版社（Cell Press）旗下期刊Cell（《细胞》）上的一项新研究，描述了斯堪的纳维亚半岛2000多年来的遗传历史——从铁器时代到今天。该研究基于对48个新的和249个已发表的古人类基因组的分析，包含了多个标志性的考古遗址，以及今天生活在斯堪的纳维亚的16500多人的遗传数据。

这项由斯德哥尔摩大学和deCODE基因公司（雷克雅未克）研究组领导的新研究，提供了对维京时代（公元750-1050年）人口迁徙模式和基因流动的深入了解。它还表明，在这一时期被引入斯堪的纳维亚的人口的祖先，后来由于未知原因而衰落。

在现代斯堪的纳维亚的某些地区，非本地血统水平较低。这表明，非斯堪的纳维亚血统的古代个体，对该地区当前基因库的贡献，比根据考古记录观察到的预期结果要小。斯德哥尔摩大学的Ricardo Rodríguez-Varela说。

斯德哥尔摩大学的Anders

Götherström补充说：不同的过程，在不同的时间，把不同地区的人们带到了斯堪的纳维亚。

研究人员最初并没有计划将斯堪的纳维亚历史与时间和空间拼凑在一起。相反，他们分别针对不同的考古遗址进行了3项独立的研究。

当分析来自不同考古遗址个体的遗传亲和性时，比如文德尔时期的船葬、维京时期的墓室葬，以及其他一些著名的考古遗址——公元500年大屠杀遗址和17世纪瑞典皇家战舰克伦纳号遗骸中的个体，我们开始看到斯堪的纳维亚不同地区和时期，非本地血统的水平和起源的差异。Rodríguez-Varela解释道。

最初，我们进行了3项不同的研究，主要涉及桑德比堡、船葬和克伦纳号。但我们发现，在某种程度上，将它们合并到一项关于最近2000年斯堪的纳维亚人口的研究中更有意义。Götherström说。

该研究的目的是记录过去的人口迁移如何跨越时间和空间，影响斯堪的纳维亚人的基因库，以便更好地理解当前斯堪的纳维亚人的基因结构。研究人员发现了不同来源基因流动的时间和规模的区域差异，这些来源是波罗的海东部、英属爱尔兰群岛和南欧。研究人员表示，从维京时期起，英籍爱尔兰人的祖先就广泛分布在斯堪的纳维亚半岛，而源于波罗的海东部的祖先则更多地局限于哥特兰和瑞典中部。

最后，数据还表明，现代斯堪的纳维亚人的南北遗传渐变主要源于乌拉尔血统水平的差异。相关遗传渐变群存在于维京时代，甚至可能更早。

Götherström表示，这些数据所揭示的维京时期的本质可能是最有趣的。来自西部的移民影响了整个斯堪的纳维亚半岛，而来自东部的移民则有性别差异，主要是女性进入了该地区。

此外，研究人员指出，维京时期，来自不列颠—爱尔兰群岛的基因流动似乎对斯堪的纳维亚大部分地区的基因库产生了持久的影响。考虑到挪威人在不列颠—爱尔兰群岛的活动范围，这也许并不令人惊讶。从8世纪开始，各方的冲突便接连不断，到11世纪，北海帝国建立，这是一个丹麦、挪威和英格兰王国的联盟。在这个时期，到达斯堪的纳维亚半岛的不列颠—爱尔兰人的情况和命运可能是多变的，从奴隶的被迫迁移到基督教传教士和僧侣的自愿移民。

总的来说，研究结果表明，维京时期的斯堪的纳维亚半岛充满活力。当时，居民四处移动，做着许多不同的事情。在未来研究中，研究人员希望添加更多的基因数据，更深入地了解在维京时期到达斯堪的纳维亚的祖先血统后来是如何被稀释的。他们还想通过研究来自北方的更大的古代数据集来确定南北遗传渐变群的形成时间。

Rodríguez-Varela说：我们需要更多来自北斯堪的纳维亚的前维京人数据，来调查乌拉尔人的祖先是什么时候进入这个地区的。此外，从公元前1000年到公元元年的个体数据非常稀缺，而这些数据对于理解世界上这一地区从青铜时代到铁器时代的过渡非常重要。最后，从中世纪到现在的更多个体的数据，将帮助我们理解何时以及为何非本地血统水平出现下降。（来源：科学网）

相关论文信息：<http://dx.doi.org/10.1016/j.cell.2022.11.024>

作者：Ricardo Varela 来源：《细胞》

更多科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](https://www.iikx.com)转发