跨国合作揭开印太江豚种内高度分化的神秘面纱

作者：writer 来源：科学网

本文原地址：https://www.iikx.com/news/progress/22205.html

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

跨国合作揭开印太江豚种内高度分化的神秘面纱。

在江豚可爱的外表之下，掩盖着一个令人难以接受的事实——它们已经濒临灭绝，而针对江豚(尤其是生活在沿海的东亚江豚亚种和印太江豚)的保护关注度和保护行动却仍然十分匮乏。更为严峻的是，印太海域不同地区间针对江豚的研究投入不成比例的现象十分严重。由于江豚属各种群的遗传信息不全面，造成该属的空间遗传结构至今尚不清楚、系统地理学认知匮乏，进而造成物种分类不甚清晰。

为填补这一关键的认知空白，一个来自中国和泰国的合作研究团队使用线粒体和常染色体DNA标记，共同研究了从中国东海到泰国湾江豚的空间遗传结构。这项合作研究的结果发表在中国科学院水生生物研究所主办期刊Water Biology and Security上。

为更好地说明研究区域内江豚的遗传类型，我们还增加了来自台湾海峡的窄脊和宽脊江豚样本(这通常被视为属内种间分化水平)作为参考。该研究论文的第一作者、中国科学院深海科学与工程研究所博士林文治分享道，我们在研究区域内发现了至少四个遗传种群，分别对应于台湾海峡的窄脊江豚种群和宽脊江豚种群，以及来自珠江口的种群和泰国湾种群。

最小间距网状图显示生活在中国水域的江豚大多存在共享单倍型。但来自泰国湾的江豚却形成了独特的单系群，其与南海其它宽脊江豚种群之间的遗传分化水平也高于迄今已知的大多数江豚种群间的分化水平。

Mantel检验检测到南海不同区域种群的地理和遗传差异存在强相关性，表明因距离隔离造成的分化在它们的近期演化中一直在逐步累积。林文治补充道。

研究团队还指出，相邻区域种群之间分化水平较低，提示地理距离较近的群体之间可能存在低水平的基因流。若如此，明确进化显著单元是明确保护对象并合理统筹分配保育资源的首要前提。

该研究的通讯作者、中国科学院深海科学与工程研究所研究员李松海总结道：还应该仔细评估种群间的连通性，为了维持必要的基因流需要采取保护行动。(来源：中国科学报 张晴丹)

相关论文信息：https://doi.org/10.1016/j.watbs.2022.100094

作者：李松海等 来源：《水生物学与安全》

更多 科学进展 请访问 https://www.iikx.com/news/progress/

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，爱科学iikx.com转发