



---

## 四川农业大学动物医学院供图

论文共同通讯作者、四川农业大学动物医学免疫学系(研究所)青年教师欧旭敏在接受《中国科学报》采访时介绍，成熟tRNA<sup>Aome</sup>参与解码mRNA中的遗传密码，在蛋白质合成过程中发挥着重要作用。已有研究表明tRNA表达、加工和修饰的失调与多种疾病有关，包括癌症、糖尿病等。我们团队早期研究发现HEV感染重构了肝细胞中的成熟tRNA<sup>Aome</sup>，同时在感染巨噬细胞中介导了炎症小体的激活及白介素1 的分泌。

在本研究中，该团队进一步证明了成熟tRNA<sup>Aome</sup>在协调HEV感染巨噬细胞的NLRP3炎症小体激活中扮演着重要作用。该研究揭示了HEV感染巨噬细胞中成熟tRNA<sup>Aome</sup>的动态变化，并响应HEV引起的炎症小体激活。研究表明，tRNA<sup>Aome</sup>能够调控病毒感染所介导的炎症反应。而且，tRNA<sup>Aome</sup>在病原体诱导的炎症反应中可能起着普遍的作用，是抗炎治疗一个潜在新靶点。(来源：中国科学报 张晴丹)

相关论文信息：<https://doi.org/10.1073/pnas.2304445120>

作者：欧旭敏等 来源：《美国科学院院刊》

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](https://www.iikx.com)转发