
华北理工团队搭建大规模植物开花基因数据库平台

作者：writer 来源：科学网

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/26955.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

华北理工团队搭建大规模植物开花基因数据库平台。开花是被子植物从营养生长到过渡到生殖生长的重要生物学标志。然而，不同开花调控途径涉及的基因较多，使基因搜集耗时耗力，急需建立一个全面综合的植物开花基因数据共享及分析平台。

对此，华北理工大学教授宋小明团队搜集了837个高质量植物基因组，并对其进行了开花基因的鉴定及深入分析，并搭建了植物开花基因数据库平台（PFDB，<http://pfgd.bio2db.com/>）。这是第一次大规模对植物基因组进行开花基因的鉴定及分析。

该研究成果近日发表在国际知名期刊《园艺研究》杂志上。该工作得到了河北省杰青和国家自然科学基金等项目的支持。

据悉，该成果也是继团队发表植物激素基因数据库平台（发表在iMeta杂志，PHGD, <http://phgd.bio2db.com>）后取得的又一项重要成果。这些数据库平台将极大的推进植物开花和激素基因的研究进程。（来源：中国科学报 曹杰 陈彬）

相关论文信息：<https://doi.org/10.1093/hr/uhae013>

作者：宋小明等 来源：《园艺研究》

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://www.iikx.com)转发