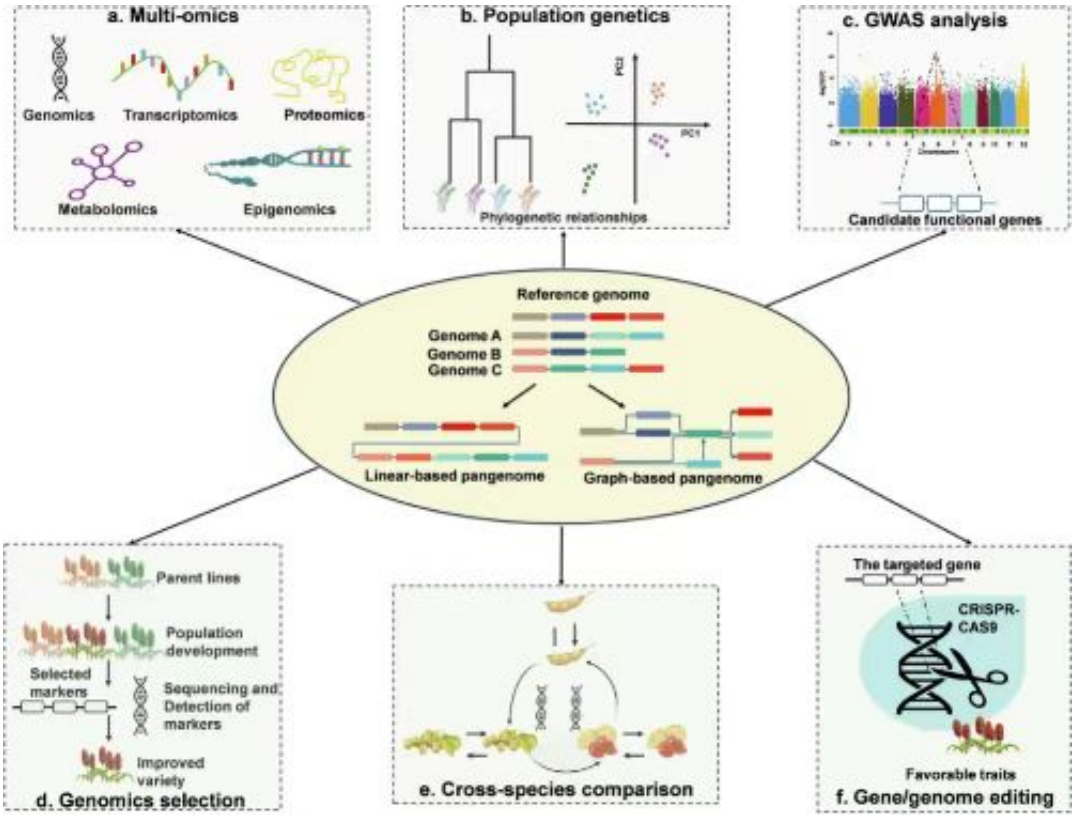
学者总结泛基因组应用于次要作物育种改良研究进展

作者：writer 来源：科学网

本文原地址：https://www.iikx.com/news/progress/31295.html

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

学者总结泛基因组应用于次要作物育种改良研究进展。
广东省农业科学院水稻研究所分子育种团队与澳大利亚西澳大学教授David Edwards团队合作，系统总结了泛基因组应用于次要作物（孤儿作物）育种改良的研究进展。近日，相关成果发表于《自然-通讯》（Nature Communications）。



泛基因组在次要作物育种改良的作用。研究团队供图

?

论文第一作者、广东省农业科学院水稻研究所副研究员胡海飞表示，该研究系统总结了泛基因组应用于次要作物育种改良中的研究进展，并从多组学分析、群体遗传分析、全基因组关联分析、

基因组选择、多物种比较及基因编辑6个方面阐述了泛基因组在次要作物育种改良研究中的促进作用。

同时研究指出，主要作物，如水稻的泛基因组研究可为次要作物的功能基因组研究提供重要的参考和指导。研究表明，通过基因组选择方法、基因组编辑技术与泛基因组学结合应用，有望将长期被忽视的次要作物发展为具有更广泛应用及经济价值的关键作物。

上述研究得到国家自然科学基金、广东省自然科学基金、广东省农业科学院青年技术骨干引进项目、广东省农业科学院水稻所杰出青年人才培养项目等项目的资助。（来源：中国科学报 朱汉斌）

相关论文信息：https://doi.org/10.1038/s41467-024-55260-4

作者：胡海飞等 来源：《自然—通讯》

更多 科学进展 请访问 https://www.iikx.com/news/progress/

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，爱科学iikx.com转发