

---

# 研究开发出酵母泛基因组数字模型与代谢网络分析方法

作者：writer 来源：中国科学院

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/34948.html>

*本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！*

近日，中国科学院大连化学物理研究所研究员周雍进团队与上海交通大学副教授鲁洪中合作，在酵母系统生物学研究中取得新进展。研究团队通过整合分析全球1807株酿酒酵母菌株的基因组与生态位数据，构建了高覆盖度的酿酒酵母泛基因组及菌株特异性代谢模型，系统解析了酵母通过基因组精简与代谢重编程适应多样化环境的分子机制。

[论文链接](#)

---

研究开发出酵母泛基因组数字模型与代谢网络分析方法

研究团队单位：大连化学物理研究所

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://www.iikx.com)转发