

脂滴聚集复合物组分解析和调控机制研究获进展

作者：writer 来源：中国科学院

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/37829.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

脂滴聚集复合物组分解析和调控机制研究获进展

。生物体中的蛋白质、核酸和脂质等生物分子在应激和疾病条件下易发生聚集，形成生物聚集体。其中，脂滴作为细胞内一种高度动态的生物聚集体，是脂质储存与代谢调控的核心亚细胞器，并与线粒体和内质网等细胞器频繁互动，兼具能量供应、膜脂合成前体储备及细胞应激保护等关键功能，对细胞代谢重编程与多种疾病发生发展具有重要意义。然而，学界对调控脂滴与亚细胞器互作聚集的分子机制尚不明晰。

近日，中国科学院大连化学物理研究所等团队，建立了基于小分子光催化剂的蛋白质邻近标记技术（LipolD）。

传统脂滴离体分离分析技术面临脂滴易破碎、弱/

瞬时互作丢失、非特异吸附等技术挑战，难以在活细胞原位、工况条件下精准还原真实的互作网络信息。

针对上述技术瓶颈，团队提出并建立了LipolD

光催化邻近标记策略：通过设计具有脂滴靶向能力与光催化活性的小分子探针，可富集于活细胞脂滴微环境；温和短时光照触发探针产生活性中间体，介导脂滴邻近区域蛋白质的快速标记。团队还建立了富集纯化与高分辨质谱鉴定方法，实现了脂滴互作蛋白组的高覆盖精准解析，且该方法覆盖多类脂代谢相关酶与调控因子，验证了其用于脂滴互作网络解析的可靠性。

团队进一步聚焦“调控脂滴与亚细胞器互作聚集的分子机制是什么？”这一核心科学问题，利用LipolD

比较蛋白组学技术，鉴定出“PLIN3—VD

AC3—ATP—

线粒体互作”这一关键调控轴。研究证

实，抑制VDAC3会降低细胞ATP水平，增大脂滴—

线粒体的空间距离，还会驱动脂滴—线粒体—

微管空间耦联的重构，并引发甘油三酯、胆固醇酯、游离脂肪酸等脂质代谢通路的系统性改变。

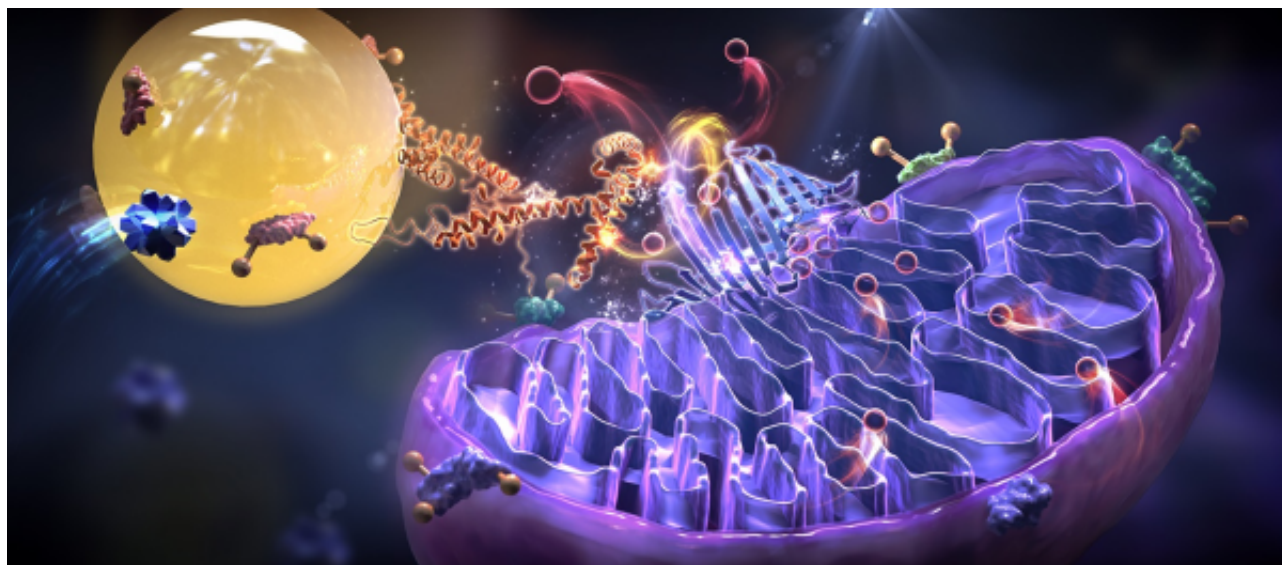
该研究为理解脂滴—

亚细胞器聚集互作提供了组学分析工具，为深入探索代谢与神经退行性疾病中脂滴聚集体的生理病理角色奠定了基础。

相关研究成果发表在《自然-化学生物学》（Nature Chemical

Biology) 上。研究工作得到国家自然科学基金委员会等的支持。

[论文链接](#)



研究开发脂滴聚集体的光催化邻近标记与组学解析新技术

研究团队单位：大连化学物理研究所

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](#)转发