
肠道微生物组变化能预示帕金森病进程

作者：writer 来源：科学网

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/39361.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

肠道微生物组变化能预示帕金森病进程。科学研究发现，携带与帕金森病风险增加相关的GBA1基因变异的人群，体内约四分之一的肠道微生物物种组成会发生变化，这可能表明这些个体更容易患上该疾病。该研究结果表明，某些与帕金森病相关的生物学变化可能在临床症状出现之前就已经存在，这有望帮助识别处于疾病早期发展阶段的个体。相关研究4月20日发表于《自然-医学》。

帕金森病是一种以运动和非运动症状为特征的神经退行性疾病，这些症状通常在大量神经元丧失后才会出现。越来越多的证据表明，肠道微生物群的变化既伴随已确诊的帕金森病，也伴随其前驱期——即在确诊前可能出现轻微症状的阶段。了解这些变化可能为早期识别高风险人群提供新的途径。

英国伦敦大学学院皇后广场神经病学研究所的Anthony Schapira、Stanislav Dusko Ehrlich和同事分析了来自英国和意大利参与者的临床及粪便数据，其中包括271名帕金森病患者、43名携带GBA1基因变异（一个遗传风险因素）但无临床症状的个体，以及150名健康对照组参与者。研究发现，健康人群与患者之间存在176种微生物差异，两组间超过四分之一的肠道微生物群丰度发生了变化。其中，有142种微生物在健康人群与携带GBA1基因变异但无帕金森病症状的人群之间呈现稳定差异。

在未患病的GBA1基因变异携带者中，其肠道微生物组的这一特征呈现出介于健康组与患病组之间的过渡模式，且其程度与早期症状呈相关性。研究人员在美国、韩国和土耳其的三个外部队列中观察到了类似的微生物模式，这些队列共包含638例帕金森病患者和319名健康对照参与者。

这些发现揭示了携带GBA1基因变异但尚未出现症状的人群中存在独特的肠道细菌模式，这指向了与帕金森病相关的早期生物学变化。然而，研究者指出，这是一项横断面研究，因此无法确定微生物组的变化能否预测未来疾病。需要进行纵向研究，随访个体随时间的变化，以确定微生物组能否可靠地识别出最有可能患上帕金森病的人群。（来源：中国科学报 冯维维）

相关论文信息：<https://doi.org/10.1038/s41591-026-04318-5>

作者：Anthony Schapira 来源：《自然—医学》

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://www.iikx.com)转发