

科学家开发出植物非编码序列高效编辑新工具

作者：writer 来源：中国科学院

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/40246.html>

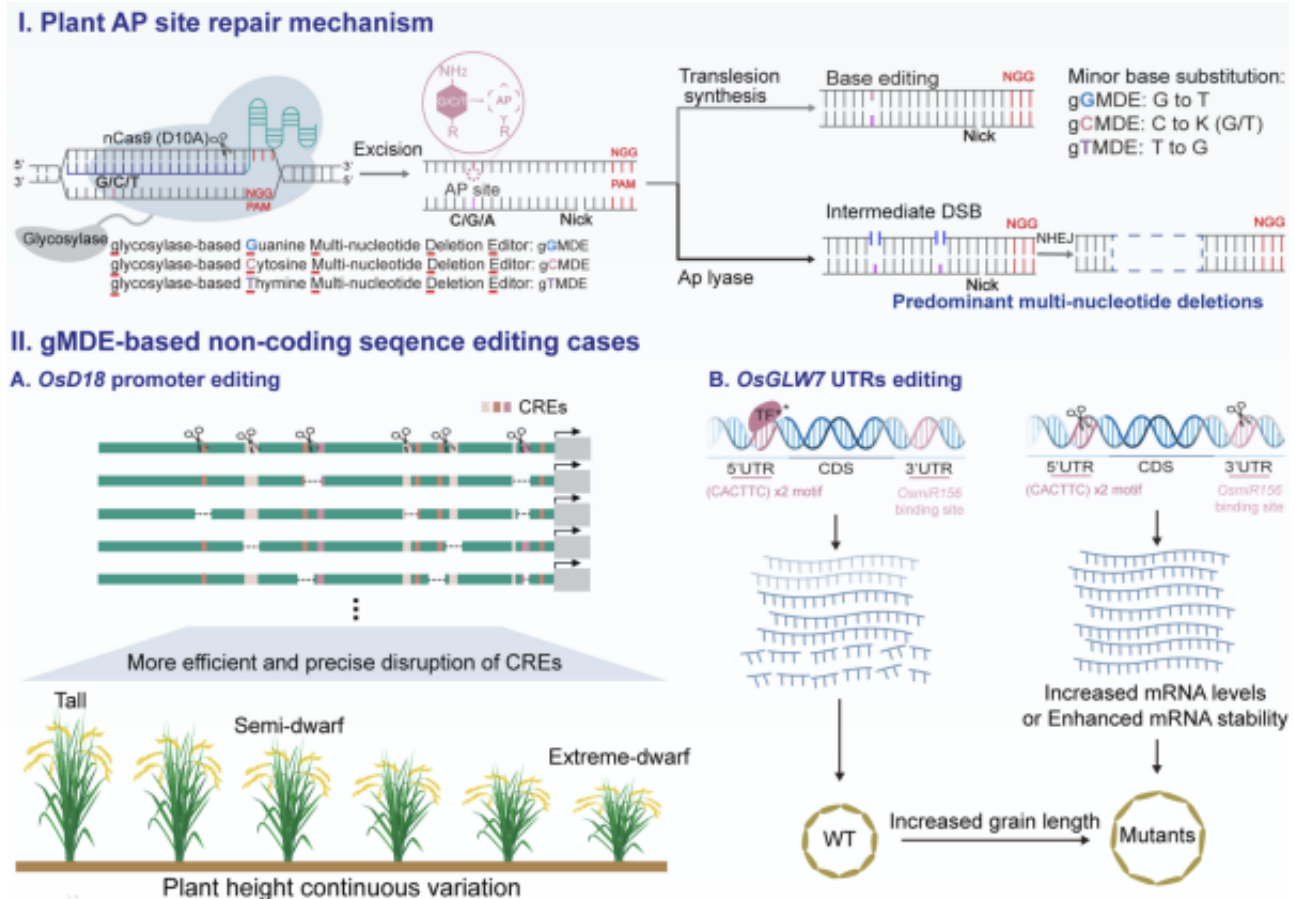
本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

科学家开发出植物非编码序列高效编辑新工具。

植物基因组中，启动子、5' / 3' -UTR、miRNA位点等非编码调控序列对基因表达及作物农艺性状具有重要影响。传统基因编辑工具在完整破坏多碱基调控元件时存在一定局限，难以满足精准调控的需求。

相关研究成果发表在《科学通报》（Science Bulletin）上。研究工作得到国家自然科学基金、国家重点研发计划等的支持。

[论文链接](#)



多核苷酸缺失编辑赋能作物性状改良

研究团队单位：成都生物研究所

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://www.iikx.com)转发