
我国科研团队搭建的ctPANDA开放共享

作者：writer 来源：科学网

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/40249.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

我国科研团队搭建的ctPANDA开放共享。中新社上海6月12日电 (陈静 王懿辉)北京时间6月11日深夜，中国医学专家团队搭建的细胞类型分辨率的胰腺癌预后分析和靶点探索平台——ctPANDA开放共享，为全球研究者找到胰腺癌潜在有效治疗靶点、破解预后“密码”提供崭新的研究视角和公共科研平台。

当日，复旦大学附属肿瘤医院院长虞先濬、该院胰腺肿瘤中心副主任施思领衔团队历时5年获得的研究成果，发表在国际知名肿瘤学术期刊《癌细胞》(Cancer Cell)上。ctPANDA的落地与开放，标志着胰腺癌乃至实体肿瘤研究正逐步迈向细胞分辨率时代。

胰腺癌被称为“癌王”，其中约90%为胰腺导管腺癌，全球胰腺导管腺癌患者5年总生存率仅约13%。施思指出，制约患者生存时间的主要问题是缺乏有效的治疗靶点，传统的研究方法无法精准区分不同细胞的独特性。

“传统研究方法会导致很多真正影响患者生存、具备治疗价值的关键基因被‘淹没’，这也是胰腺导管腺癌难以发现有效治疗靶点的重要原因之一。”虞先濬表示，ctPANDA的创建将大幅提速胰腺癌新药研发和精准诊疗技术迭代的速度，持续推动全球胰腺癌基础研究与临床转化研究工作。

研究团队整合大量胰腺癌患者的数据与信息，绘制出覆盖23种细胞类型的基因表达-生存全景图谱。基于图谱，研究团队成功构建了ctPANDA。施思解释：“该平台就像一个智能搜索引擎，医生直接在平台上‘提问’，比如‘哪个基因在癌细胞里越活跃，患者疗效较差？’平台会立刻从全景图谱中调取答案。”

研究团队基于ctPANDA首次系统性发现存在于胰腺癌患者中的一类特殊“双面基因”。“这类基因在胰腺癌细胞中会助长肿瘤发展、恶化病情；但存在免疫细胞内，却能激活免疫能力、发挥抗癌作用。”虞先濬说，这能提醒药物研发者规避药物“误伤”人体免疫细胞的风险。

研究团队还首次发现，三类预后“坏”细胞聚集形成的“三重复合体”是胰腺癌新辅助治疗产生耐药性的核心原因，为破解胰腺癌耐药难题找到了新方向和视角。(完)

(原题：中国科研团队搭建的ctPANDA开放共享 打破“癌王”治疗僵局)

作者：陈静，王懿辉 来源：中新网

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://www.iikx.com)转发