研究提出强迫症个体化分型新方法

作者：writer 来源：科学网

本文原地址：https://www.iikx.com/news/progress/41654.html

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

中南大学湘雅二医院医学心理中心教授朱熊兆团队近日在《分子精神病学》（Molecular Psychiatry）发表研究论文，提出覆盖症状网络、脑动态功能、皮层形态与分子基因表达的强迫症多维亚型分类方法，为强迫症精准诊断和个体化治疗开辟全新路径。论文第一作者为湘雅二医院医学心理中心博士生袁东玲，朱熊兆和该医院放射科司徒卫军为论文共同通讯作者。

强迫症是一种高异质性的精神心理障碍，基于症状维度或临床量表总分的传统分类方法难以揭示其核心病理机制，严重阻碍了强迫症的精准诊断和个体化治疗。为此，研究团队基于3227名健康者的大规模脑影像数据，构建了规范化症状网络模型，首次从个体水平量化不同强迫症状在疾病网络中的核心作用，绘制了个体化症状地图。

在此基础上，团队采用数据驱动策略，识别出强迫症三种稳定亚型，即检查/强迫思维型、排序/清洗型和囤积型。三类亚型分别对应差异化的脑功能动态激活模式、皮层形态相似性，且与特定神经递质受体分布（如5-HT、DA系统）及皮层基因表达谱显著耦合，提示不同亚型可能需要不同的药物靶点与神经调控策略。

据介绍，研究进一步在独立样本、纵向随访队列以及不同评估工具中逐一验证，证明该亚型分类具有跨样本稳定性、时间可重复性及工具通用性，为临床转化扫清了关键障碍。该成果契合了当前精神心理研究从平均到个体化、从总分到网络的趋势，助推强迫症迈入机制导向的精准分型。（来源：中国科学报 王昊昊 张逸）

相关论文信息：https://link.springer.com/article/10.1038/s41380-026-03673-6

作者：朱熊兆等 来源：《分子精神病学》

更多 科学进展 请访问 https://www.iikx.com/news/progress/

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，爱科学iikx.com转发