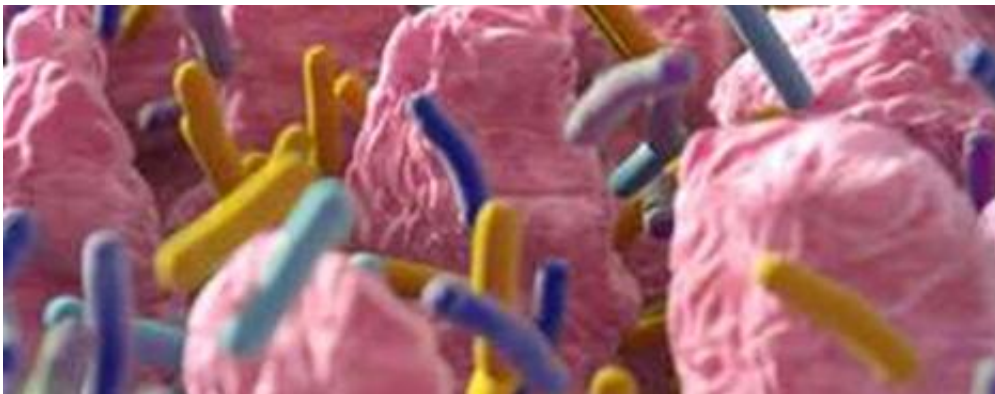

EHJ：科学家阐明肠道微生物组与机体动脉硬化之间的神秘关联

作者：writer 来源：本站

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/509.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

2018年5月11日讯，近日，一项刊登在国际杂志European Heart Journal上的研究报告中，来自诺丁汉大学等机构的研究人员通过研究发现，消化系统中有益菌群多样性的水平或许与心血管疾病的一个特征—动脉硬化有一定的关联。在医学研究中肠道微生物组受到了科学家们越来越多的关注，因为如今我们都知道肠道菌群对机体多方面健康非常重要，包括机体代谢和自身免疫系统等；肠道中健康菌群多样性的缺乏与多种健康问题直接相关，比如糖尿病、肥胖和炎性肠病等。



图片来源：University of Nottingham

这项研究中，研究人员通过研究首次发现了肠道菌群和机体动脉硬化之间的关联，这就意味着通过饮食、药物疗法和益生菌来靶向作用微生物组或许能作为一种新方法降低心血管疾病的发病风险。肠道微生物组能够参与多种潜在疾病的发病机制，包括容易促成人们患心脏病的炎症等，随着机体的老化，动脉的硬化会在不同人群中以不同的比率发生，而这就成为了诱发心血管疾病风险的一个关键因素。

文章中，研究人员对来自TwinsUK注册系统中的617对中年女性双胞胎的医学数据进行分析研究，TwinsUK系统中含有全国性的成年双胞胎的医学数据；研究人员利用标准的测量方法(颈动脉股动脉脉搏波速法，PWV)对参与者机体的动脉硬度进行测定，同时研究人员还分析了这些女性参与者机体的肠道微生物菌群。

相关研究结果表明，女性机体肠道中微生物群落的多样性或与其动脉健康之家存在一种显著性的关联，当调整了代谢变化和血压等因素后，研究者发现，女性机体肠道中健康菌群的多样性水平

降低与其动脉硬化测量值增加直接相关，同时研究人员还鉴别出了与机体动脉僵硬风险下降相关的一些特殊菌群，此前研究人员发现这些菌群或与机体肥胖风险降低有关。

研究者Ana Valdes说道，我们都知道，很大一部分心血管疾病事件(比如心脏病发作)或许并不能通过传统的风险因子来解释，比如肥胖和吸烟等，尤其是在年轻人、女性以及一些动脉僵硬风险的个体中。这项研究中研究人员首次在人类机体中发现，肠道微生物及其产物或与机体动脉僵硬的风险直接相关，因此研究人员或许能利用肠道菌群来检测个体患心脏病的风险，同时也能通过改善饮食或药物的方式来降低其患心脏病的风险。

目前研究人员希望能够寻找新方法来增加机体肥胖和糖尿病等患者机体肠道微生物的多样性，而本文研究则表明，寻找膳食干预的措施来改善肠道菌群的健康或许就能有效降低人们患心脏疾病的风险。研究者总结道，通常的风险因子或许不能解释机体心血管疾病的风险，而未来通过分析肠道微生物组的健康或许就能增强这种解释，而这尤其能帮助有效区分年轻人和女性人群中的心血管疾病风险，而且肠道微生物组或许还能作为基于营养策略的健康干预手段的靶点，比如高纤维膳食就能有效改善肠道中有益菌群的质量和多样性;实际上肠道微生物组的组成或许还可能有益于促进机体对膳食纤维的摄入从而影响心血管疾病的风险，当然研究人员还需要后期进行更为深入的研究来进行探究。

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](https://www.iikx.com)转发