

---

# 全球规模最大肺炎链球菌基因组普查完成

作者：writer 来源：新华社

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/5563.html>

*本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！*

全球规模最大肺炎链球菌基因组普查完成。一个国际科研团队新近完成了迄今最大规模的肺炎链球菌基因组普查。研究人员对来自51个国家和地区的约2万份病菌样本进行基因组测序，相关数据对了解不同菌株的分布和进化有重要意义，可帮助确定未来的疫苗研发方向。

这个名为全球肺炎链球菌测序计划的项目由英国韦尔科姆基金会桑格研究所主导，美国、以色列、南非和中国香港等地的多家机构参与。相关论文发表在英国《柳叶刀·传染病》杂志上。

桑格研究所日前发表新闻公报说，研究人员总共发现了621个肺炎链球菌菌株，每个菌株都有一种或多种表面抗原类型。病菌样本取自接种疫苗前后不同时期，揭示了病菌进化出新形态以躲避疫苗攻击的情形。

肺炎是全球主要传染病之一，也是5岁以下儿童的头号致死疾病，其细菌型病原体以肺炎链球菌为主。许多国家近年来针对儿童开展大规模疫苗接种，但全球肺炎发病率仍然很高。其中一个原因是，主要肺炎疫苗针对7种或13种常见的肺炎链球菌表面抗原，而已知的表面抗原类型超过100种。

研究人员说，相关数据使人们首次了解全球范围的肺炎链球菌感染情况，弄清不同地区常见的菌株。此外，根据病菌在疫苗压力下的进化规律，可以预测特定地区接种疫苗后会出现什么样的新菌株，及时制订应对方案。由于细菌进化速度非常快，研究人员认为应当持续进行全球范围的基因组监测。

该项目首席研究员、美国埃默里大学全球卫生研究所所长罗伯特·布雷曼说，全球肺炎链球菌测序计划开启了基因组学与公共卫生工作结合的新时代，这种结合在优化疾病预防策略方面有着无与伦比的能力，并为预测和应对新挑战提供了一种极富价值的工具。

相关论文信息：[https://doi.org/10.1016/S1473-3099\(19\)30297-X](https://doi.org/10.1016/S1473-3099(19)30297-X)

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

---

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://iikx.com)转发