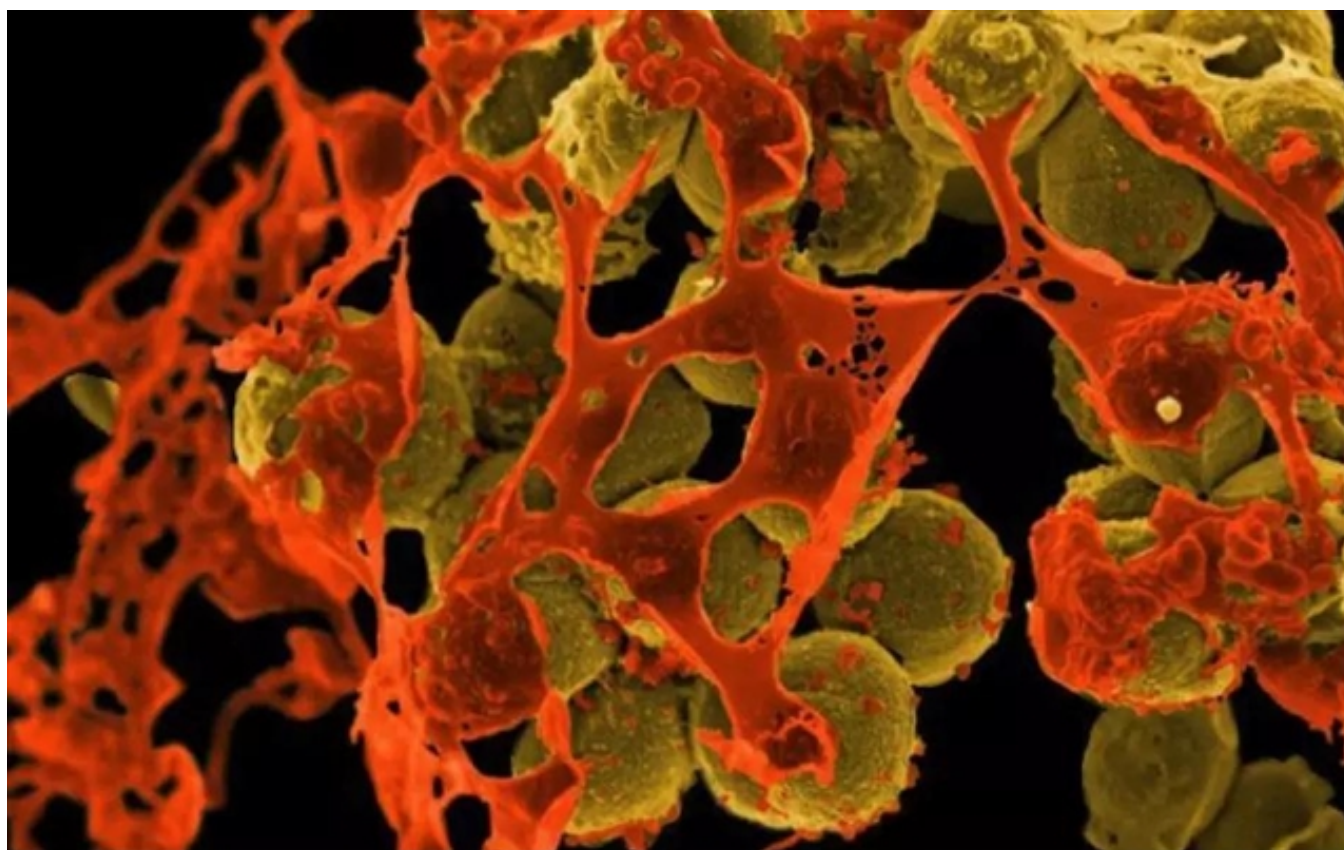

BMC Biology 近期研究荟萃及征稿

作者：writer 来源：科学网

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/7125.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！



BMC Biology 近期研究荟萃及征稿。Willmann和他的同事使用shotgun metagenomics跟踪两组接受不同预防性抗体的患者肠道微生物组和耐药性的变化，发现抗病毒药物和基本微生物组以及抗生素治疗方案的影响。

从新一代测序数据中发现微生物污染

A systematic sequencing-based approach for microbial contaminant detection and functional inference

DOI: 10.1186/s12915-019-0690-0

[点击此处，阅读论文。](#)



由Kenta Nakai和他的同事提出的一种分析新一代测序数据中微生物污染的计算方法，该方法发现实验室试剂和环境的微生物污染导致了细胞系的基因表达和表型的变化。

研究特辑精选

环境与可持续发展

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](https://www.iikx.com)转发