
2019新型冠状病毒资源库发布

作者：writer 来源：中国科学院

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/8114.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

1月22日，国家基因组科学数据中心正式发布[2019新型冠状病毒资源库](#)。该库整合了世界卫生组织（WHO）、中国疾病预防控制中心（CDC）、美国国家生物技术信息中心（NCBI）、全球流感序列数据库（GISAID）等机构公开发布的冠状病毒基因组序列数据、元信息、学术文献、新闻动态、科普文章。同时，对不同冠状病毒株的基因组序列做了变异分析与展示。

2019新型冠状病毒资源库收录了来源于NCBI的GenBank数据库和GISAID数据库发布的2019新型冠状病毒（2019-nCoV）病毒株的株名、采样日期、采样地点、样本提供单位、数据递交单位等元信息。通过该资源库还可访问到国家基因组科学数据中心基因组数据库GWH从公共数据库收录的冠状病毒科基因组和蛋白序列，用户可基于Accession号、种名、属名、采样日期、采样地点、宿主、分离源、发布日期等元信息筛选感兴趣的冠状病毒株，个性化选取序列进行下载以开展相关的科学研究。

2019新型冠状病毒资源库将持续更新元信息与基因组序列数据，实时监控NCBI的PubMed数据库中发表的2019新型冠状病毒和其他冠状病毒的学术文献、中新网与新华网发布的新闻，同步更新世界卫生组织与中国疾病预防控制中心发布的科普介绍，为用户开展学术研究、掌握科研进展、了解新闻动态与科学知识提供资源与窗口。

2019新型冠状病毒资源库基于不同参考基因组序列开展2019-nCoV病毒株基因组变异分析，并对结果进行了统计与可视化展示。通过对全基因组序列相似性比较和变异位点分析，获取2019-nCoV病毒株之间、2019-nCoV病毒株与SARS冠状病毒以及与类SARS冠状病毒蝙蝠株之间的变异程度、变异区域、变异碱基的详细信息。经数据分析，2019-nCoV与2003年爆发的SARS病毒基因组序列相似度为80%，与2017年2月从国内的蝙蝠中采集到的Bat SARS-like coronavirus isolate bat-SL-CoVZC45基因组序列相似性最高，相似度为88%。对2019-nCoV病毒株的基因组变异分析为追溯病毒来源、追踪病毒株变异路径、防控新型冠状病毒引发的疫情、治疗病毒性肺炎提供重要的数据基础与决策支持。

基因组序列发布动态

Show 5 entries

Search:

病毒株名	序列号	数据来源	采样日期	采样地点	样本提供单位	数据递交单位
BetaCoV/Kanagawa/1/2020	EPI_ISL_402126	GISAID	2020/1/14	Kanagawa Prefecture / Japan	Dept. of Virology III, National Institute of Infectious Diseases	Dept. of Virology III, National Institute of Infectious Diseases
BetaCoV/Nonthaburi/61/2020	EPI_ISL_403962	GISAID	2020/1/8	Thailand/ Nonthaburi Province	Bamrasnaradura Hospital	1. Department of Medical Sciences, Ministry of Public Health, Thailand
BetaCoV/Nonthaburi/74/2020	EPI_ISL_403963	GISAID	2020/1/13	Thailand/ Nonthaburi Province	Bamrasnaradura Hospital	1. Department of Medical Sciences, Ministry of Public Health, Thailand
BetaCoV/Wuhan-Hu-1/2019	MN908947	GenBank	2019/12	China / Hubei Province / Wuhan City		Shanghai Public Health Clinical Center & School of Public Health, Fudan University, Shanghai, China
BetaCoV/Wuhan/HBCDC-HB-01/2019	EPI_ISL_402132	GISAID	2019/12/30	China/Hubei Province	Wuhan Jinyintan Hospital	Hubei Provincial Center for Disease Control and Prevention

2019新型冠状病毒基因组序列发布动态

Viruses; Riboviria; Nidovirales; Coronavirineae; Coronaviridae

Nucleotide Protein

Select all Deselect all Download selected sequences Search:

Showing 1 to 10 of 2,835 entries

Accession	Species	Genus	Collection Date	Country	Host	Isolation Source	Length	Title	Release Date
<input type="checkbox"/> NC_045512 (NCBI)	Wuhan seafood market pneumonia virus	Betacoronavirus	2019-12	China	Homo sapiens	-	30473	Wuhan seafood market pneumonia virus isolate Wuhan-Hu-1, complete genome	2020-01-13
<input type="checkbox"/> MN908947 (NCBI)	Wuhan seafood market pneumonia virus	Betacoronavirus	2019-12	China	Homo sapiens	-	29875	Wuhan seafood market pneumonia virus isolate Wuhan-Hu-1, complete genome	2020-01-12
<input type="checkbox"/> MN120514 (NCBI)	Middle East respiratory syndrome-related coronavirus	Betacoronavirus	2019-03-28	Saudi Arabia	Homo sapiens	-	30118	Middle East respiratory syndrome-related coronavirus isolate 013, complete genome	2019-07-27
<input type="checkbox"/> MN120513 (NCBI)	Middle East respiratory syndrome-related coronavirus	Betacoronavirus	2019-03-27	Saudi Arabia	Homo sapiens	-	30118	Middle East respiratory syndrome-related coronavirus isolate 016, complete genome	2019-07-27
<input type="checkbox"/> MN365233 (NCBI)	Middle East respiratory syndrome-related coronavirus	Betacoronavirus	2019-02-15	Saudi Arabia	Homo sapiens	oronasopharynx	30118	Middle East respiratory syndrome-related coronavirus strain Hu/Riyadh-KSA-19003852/2019, complete genome	2019-09-04

GWH数据库收录的冠状病毒科基因组序列信息

2019新型冠状病毒基因组变异分析：基因组变异分析的参考基因组为GenBank发布的2019新型冠状病毒株基因组序列MN908947.3，SARS-Cov为SARS 冠状病毒，bat-SL-CoVZC45为类SARS冠状病毒蝙蝠株，其余基因组序列来源于GISAID发布的2019新型冠状病毒株。红色竖线表示变异位点。

研究团队单位：北京基因组研究所

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://www.iikx.com)转发