
科学家绘制人类血浆蛋白质组遗传图谱

作者：冯维维 来源：中国科学报

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/862.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

近日《自然》发表的一篇论文报道了人类血浆蛋白质组的遗传图谱。该研究发现的遗传变异与个体蛋白水平之间的联系，或意味着可以借此鉴定出新的治疗靶点，并将现有药物用于治疗新的疾病。

血浆蛋白对各种生物过程至关重要，包括生长、修复、信号传导、运输和抵抗感染。它们是重要的药物靶点，并且在疾病过程中经常受到差异化调节。然而，由于过去研究范围有限，人们对于决定个体血浆蛋白水平的遗传因素知之甚少。

英国剑桥大学的Adam Butterworth及其同事研究了与特定分子靶点(适配体/适配子)结合的DNA短链，以量化3301名健康个体血浆中的3622种蛋白质。样品取自INTERVAL，这是一项对近5万名英国献血者开展的研究，旨在通过确定最佳的献血间隔时间来改善NHS的血液供应。该研究小组鉴定出了基因组区域与1478种蛋白质之间的1927种关联——其中89%以前是未知的。这些位置和调节基因表达的区域之间存在相当大的重叠，这表明蛋白质水平通常但不总是由基因表达水平决定。

此外，作者还鉴定出他们所研究的特定遗传变异与过去识别出来的与常见疾病相关的区域存在联系。了解疾病、遗传变异和特定蛋白质水平之间的关系有望为鉴定新的治疗靶蛋白以及旧药新用铺平道路，也有助于鉴定目前正在开发的药物的潜在风险。(来源：中国科学报 冯维维/编译)

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](https://www.iikx.com)转发