
真菌类群属与种的分类学及系统发育研究获进展

作者：writer 来源：中国科学院

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/progress/8760.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！

真菌界许多物种对人类来说还是一个谜。真菌类群种与属的分类学地位、系统发育与进化是全球研究的热点。云南农业大学盛军团队与中国科学院昆明植物研究所许建初团队联合发表了真菌类群种属分类学与系统发育研究最新成果。研究团队选择两个门（子囊菌门Ascomycota，担子菌门Basidiomycota）、六个纲、24个目与55个科的126个真菌类群，所选类群覆盖了欧洲意大利等地，亚洲中国、印度和泰国，以及北美和南美国家的物种。此研究引入了96种新的分类单元，包括两个新科(Eriomycetaceae and Fasciatisporaceae)，12个新属 (Bhagirathimyces, Camporesiomyces, Eriocamporesia, Eriomyces, Neomonodictys, Paraloratospora, Paramonodictys, Pseudoconlarium, Pseudomurilentithecium, Setoapiospora Srinivasanomyces and Xenoanthostomella) 以及82个新种。此外，此研究也包括五种新的组合，25个关于新真菌宿主和地理分布的新纪录，同时报道了有性型-无性型关联性，在每个分类单元中提供了详细的描述、插图、系统发育树以及查询说明，实用性强。

研究成果以《真菌多样性注释1151 – 1276：对真菌类群的属和种的分类学及系统发育的贡献》为题，发表在该领域的刊物*Fungal Diversity Notes*系列第11卷（FDN11）的特刊，在真菌多样性*Fungal Diversity*的第100卷中发行。真菌学家Kevin Hyde教授、云南农业大学教授盛军与昆明植物所研究员许建初为论文的通讯作者。

该研究成果为中科院昆明植物所-云南农业大学合作科研项目“云南省土壤微生物地理分布及驱动力研究”的一部分，该研究得到绿色食品国际合作研究中心（2019ZG009）、生物资源数字化体系研究和应用（2019008）项目资助。

[文章链接](#)

[相关链接](#)

Fungal diversity notes 1151–1276: taxonomic and phylogenetic contributions on genera and species of fungal taxa

- 3 Kevin D. Hyde^{1,3,4,11}, Yang Dong^{3,7}, Rungtwa Phookamsak^{1,3,6,7}, Rajesh Jeewon⁸, Di Jayarama Bhat¹⁰, E. B. Gareth Jones^{1,3,7}, Ning-Guo Liu^{3,8,13,17}, Pranami D. Abeywickrama^{3,13}, Ausana Mapook^{3,13,19}, Daping Wei^{3,8,13}, Rikhi H. Perera^{3,8,17}, Ishara S. Manawasinghe^{3,13}, Dhandevi Pem^{3,18}, Digvijayini Bundhun^{3,8,17}, Anuruddha Karunaratna^{3,8,13,19}, Anusha H. Ekanayaka^{3,7}, Dian-Feng Bao^{3,7,12,20}, Junfu Li^{3,8,13}, Milan C. Samarakoon^{3,8,17,22}, Napatjai Chaiwan^{3,3,13}, Chuan-Gen Lin^{3,8,13}, Kunthida Phutthacharoen^{3,13}, Sheng-Nan Zhang^{3,8,13}, Induni C. Senanayake³, Ishani D. Goonasekera^{3,8,13}, Karun M. Thambipala¹⁷, Chayanard Phukhamsakda^{3,13}, Danushika S. Tennakoon^{3,8,13,19}, Hong-Bin Jiang^{3,8,13}, Jing Yang^{3,8,13,17}, Ming Zeng^{3,8,13}, Narumon Huanrualek⁷, Jian-Kui (Jack) Liu²¹, Subodini N. Wijesinghe^{3,8,13,23}, Qing Tian^{3,13}, Sawaluck Tibpromma^{3,6,7}, Rashika S. Brahmanage¹⁷, Saranyaphat Boonmee⁷, Shi-Xu Huang^{3,8,13}, Vinodhara Thyagaraja^{3,8,13}, Yong Zhong Lu²¹, Ruchika S. Jayaramana⁸, Wei Dong^{3,8,13,24}, Er-Fu Yang^{3,7}, Sanjay K. Singh²⁷, Shiv Mohan Singh²⁸, Shiwali Bana²⁹, Sneha S. Lad²⁷, Garima Anand²⁹, Bandaruwalli Devadatha³⁰, M. Niranjana³⁰, V. Venkateswara Sarma³⁰, Kare Limmatitien³¹, Begonia Aguirre-Hudson³¹, Tuiula Niskanen³¹, Andy Overal³², Renato Lúcio Mendes Alvarenga³³, Tatiana Baptista Gibertoni³³, Walter P. Pfliegler³⁴, Enikő Horváth^{34,35}, Alexandra Imre^{36,38}, Amanda Lucia Alves³⁸, Ana Carla da Silva Santos³⁹, Patricia Vieira Tiago³⁹, Timur S. Bulgakov⁴⁰, Dhanushaka N. Wanasinghe^{3,6,7}, Ali H. Bahkai^{3,8,40}, Mingkwan Doolom^{3,6,7}, Abdullah M. Elgorban^{3,40}, Sajeeva S. N. Maharachchikumbura⁴¹, Kunhiraman C. Rajeshkumar⁴², Danny Haefliger^{43,44,45,46}, Peter E. Mortimer^{3,7}, Qi Zhao⁷, Sahamont Lomyong^{7,13,47}, Jianchu Xu^{3,6,7}, Jun Sheng Li^{3,4}

Received: 13 November 2019 / Accepted: 20 January 2020
© The Author(s) 2020



真菌类群属与种的分类学及系统发育研究获进展

研究团队单位：昆明植物研究所

更多 科学进展 请访问 <https://www.iikx.com/news/progress/>

本文版权归原作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](https://www.iikx.com)转发