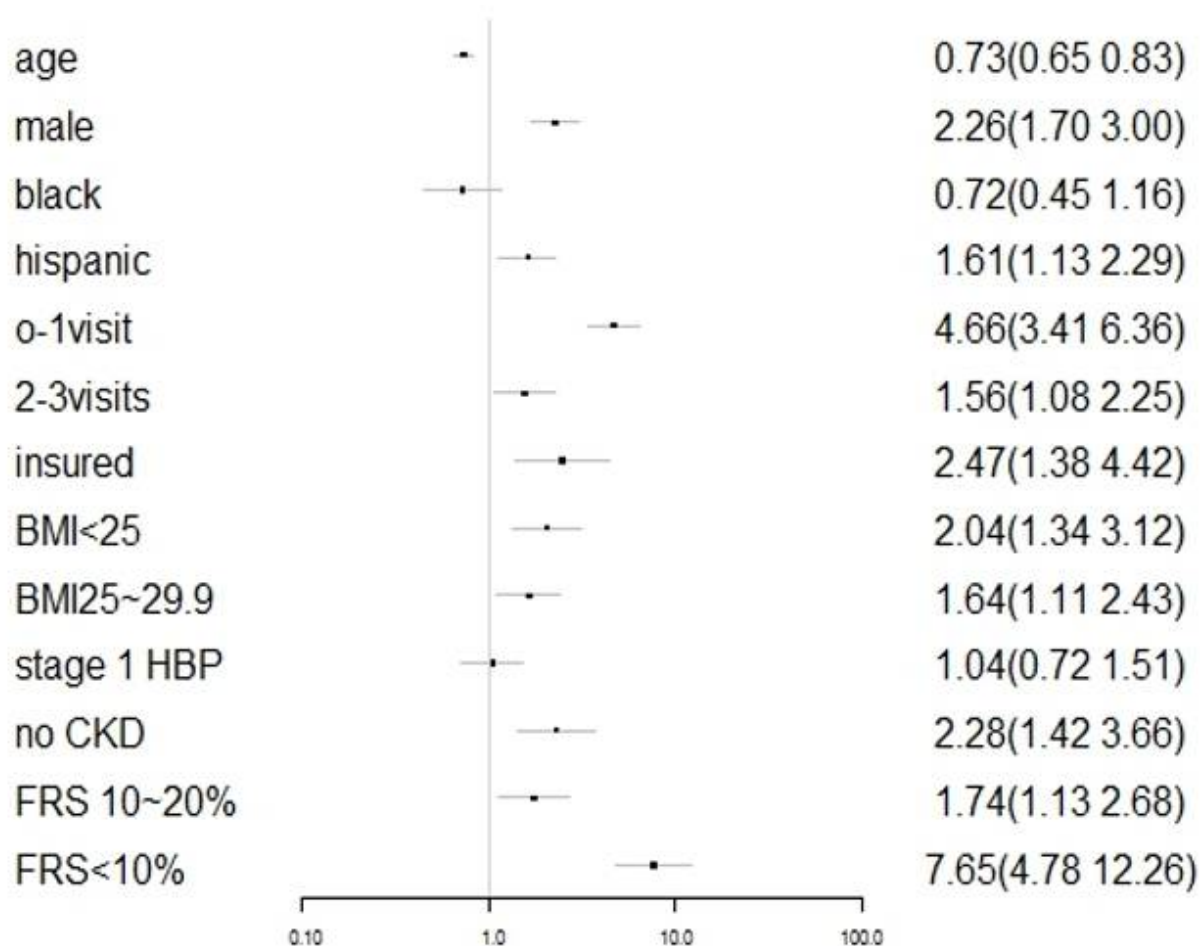


怎么更好的展示logistic回归的结果！森林图，你值得拥有！

作者：王晓晓，赵一鸣 来源：临床流行病学和循证医学

本文原地址：<https://www.iikx.com/news/statistics/1985.html>

本文仅供学习交流之用，版权归原作者所有，请勿用于商业用途！



临床流行病学和循证医学

大家看看这个森林图有何不同?这个森林图不是meta分析的，而是logistic回归的，高大上啊!若是咱们用此森林图展示logistic回归的结果，妙哉啊。但是，怎么画呢?今天咱们用R软件画一画logistic回归的森林图。

首先，按下图将logistic回归的结果整理好。v1为各变量名称，v2为OR(95%CI)，v3为OR点估计，v4为OR的95%CI下限，v5为OR的95%CI上限。存储为csv格式，待会有大用哦。

接下来就要画森林图了，大家准备好了吗？

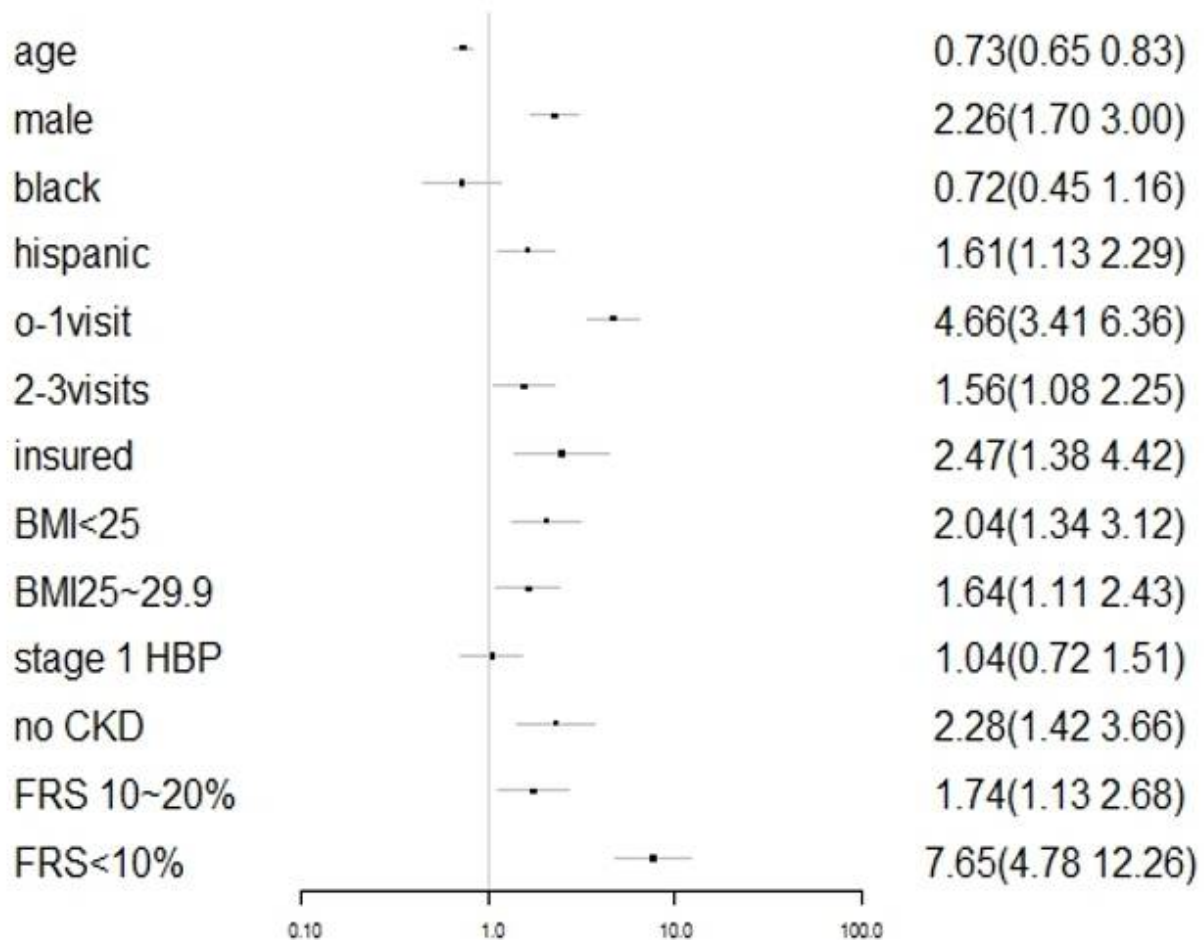
-
1. 下载、安装R和RStudio，百度搜索即可。
 2. 安装forestplot程序包，`install.packages("forestplot")`。
 3. 加载forestplot程序包，`library(forestplot)`。
 4. 读入数据，`dat<-read.csv(file.choose())`。键入该命令后，会弹出浏览、选择文件的对话框，选择整理好的数据。

5. 绘制森林图

```
forestplot(as.matrix(dat[,1:2]), #使 dat 数据的前两列直接显示在森林图中,
  dat$v3, #说明 dat 的第 3 列为 OR 的点估计,
  dat$v4, #说明 dat 的第 4 列为 95%CI 下限,
  dat$v5, #说明 dat 的第 5 列为 95%CI 上限,
  zero = 1, #定义无效线,
  clip = c(0.4,15), #说明 95%CI 的区间,
  graph.pos = 2, #设置森林图画在第二列, 即变量名后,
  xticks = c(0.1,1,10,100), #设置 x 坐标,
  boxsize=0.05, #即图中黑点的大小,
  xlog=TRUE) #定义 x 坐标为对数分布,
```

 临床流行病学和循证医学

6. 运行程序后，RStudio右下角就出现我们想要的森林图了。点击Zoom可在新窗口查看森林图，通过Export可将森林图存储成适合的格式。



临床流行病学和循证医学

完整版程序如下：

```
install.packages("forestplot")
```

```
library(forestplot)
```

```
dat<-read.csv(file.choose())
```

```
forestplot(as.matrix(dat[,1:2]), dat$v3, dat$v4, dat$v5, zero = 1, clip = c(0.4,15), graph.pos = 2, xticks = c(0.1,1,10,100), boxsize=0.05, xlog=TRUE)
```

更多 统计方法 请访问 <https://www.iikx.com/news/statistics/>

本文版权归作者所有，请勿用于商业用途，[爱科学iikx.com](http://iikx.com)转发